<u>Génétique humaine</u>

I_Rappels

A. Termes

Locus : position spécifique d'une séquence d'ADN sur un chromosome. Souvent employé pour désigner la position d'un gène.

Allèles : différentes versions d'un même gène.

Homozygotie / hétérozygotie : on individu possédant deux mêmes allèles pour un gène donné est homozygote ; deux allèles différents, il est hétérozygote.

Dominance / récessivité : on allèle est dominant s'il s'exprime à l'état hétérozygote ; un allèle est récessif s'il ne s'exprime qu'à l'état homozygote.

Génotype : constitution génétique de l'individu.

Phénotype : ensemble des caractères apparents d'un individu.

B. Particularités de dominance

Codominance:

Expression de deux allèles différents pour un même gène (hétérozygote). Le phénotype résultant est la somme de ceux codés par chaque allèle. <u>Ex</u> : groupes sanguins (groupe AB)

Semi-dominance:

Situation où un hétérozygote possède un phénotype intermédiaire entre ceux codés par chaque allèle.

Ex : couleur des fleurs (0 allèles : blanche _ 1 allèle : rose _ 2 allèles : rouge)

C. Brassage génétique

Chez l'homme, un gamète peut être assorti en chromosomes de 2²³ manières différentes. Ce nombre augmente encore s'il y a des <u>crossing-over</u>.

Après une fécondation, l'œuf a (2²³)² combinaisons possibles !

è Le brassage est très important.

II Méthodes des généalogies

A. Principe d'une analyse

L'hérédité monogénique (ou Mendélienne) est basée sur la <u>transmission</u> <u>d'un seul gène</u> sous un mode dominant, récessif ou lié au chromosome sexuel.

Remarque : D'autres modes de transmission existent

- à hérédité multifactorielle : elle fait appel à la synergie de gènes et de facteurs environnementaux
- à Hérédité mitochondriale : transmission <u>d'ADN mitochondrial</u>, transmis <u>uniquement par la mère</u> avec un nombre variable de mitochondries transmises.

	Symboles utilisés					
Sexe	Mâle O	Femelle	\Diamond Ir	ndifférent		
État	◯ Sain ● M	Malade 🖔) Mort	Porteuse (h	étérozygote)	Fausse couche
Jumeaux	Faux	x <		Vrais jumeaux		
Union	Quelco	nque 🗀	 	Consanguine		
p p	_ gène dominan	ne peut pas nportant de s précises. nt porté par	effectue familles un autos	er de croisemen , et plus elles so some	ts sur l'humain. I	Plus l'étude
à	_ gène récessif _ gène dominan _ gène récessif 1° famille :	nt porté par	un gono	some		
u				niner la dominan hromosome port		ni quel
à	2° famille :			r comme hypoth ominant porté pa		
à	3° famille :		gène d	r comme hypoth ominant porté pa ominant porté pa	ar un gonosome	
à	4° famille :	On peu	t élimine	r comme hypoth	ièses :	

_ gène dominant porté par un gonosome
_ gène dominant porté par un autosome
_ gène récessif porté par un gonosome
è Le gène est récessif et porté par un autosome

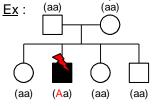
B. Caractéristiques des différents modes de transmission

Hérédité	Hérédité	Hérédité	Hérédité
autosomique	autosomique	gonosomique	gonosomique
dominante	récessive	dominante	récessive
à Les deux sexes sont atteints à Un individu atteint (hétérozygote) a 50 % de chances de transmettre la maladie à Un individu atteint a forcément un parent atteint à Un individu sain ne	à La maladie peut sauter plusieurs générations à Souvent un individu malade naît de deux parents sains (hétérozygotes) à Pour des maladies rares, la maladie survient très souvent	à Les individus mâles sont plus touchés que les individus femelles à Une femme malade transmet sa maladie à 50% de ses enfants à Un homme malade transmet sa maladie à toutes ses filles et aucun de ses fils	à Seuls les mâles sont atteints (si parents sains) à L'allèle malade est transmis par la mère à 50 % des fils seront malades et 50 % des filles seront porteuses
peut pas transmettre la maladie à Transmission sans saut de génération à Transmission indépendante du sexe	suite à des unions consanguines	à Le fils ne reçoit jamais la maladie de son père	

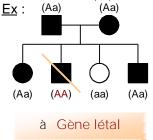
Remarques:

_ La survenue d'une mutation peut déclencher des résultats inattendus.

Heureusement, ce cas est relativement rare.



_ On observe souvent qu'un <u>individu homozygote</u> de l'allèle (récessif) malade est beaucoup plus touché (voire mort) <u>qu'un individu hétérozygote</u>.



- _ Un gène létal a tendance à se retrouver dans une faible proportion dans la population. Certains gènes font <u>exception</u>; cela survient lorsque le fait de posséder <u>un des gènes malades de manière hétérozygote</u> <u>permet d'obtenir un avantage</u> sélectif.
- <u>Ex</u> : à Posséder le gène de la drépanocytose de manière hétérozygote permet de se protéger du paludisme.
- à Les individus porteurs du gène de la mucoviscidose de manière hétérozygote ont une fertilité accrue.

III_ Particularités sur les différentes hérédités

A. Pénétrance

Certains individus porteurs d'un allèle dominant n'expriment pas ce gène. On dit que le gène a une pénétrance incomplète. Dans le cas des gènes causant une pathologie, on dit que le gène est morbide.

En effet on définit la pénétrance d'un gène par le rapport entre le nombre d'individus atteints comparé au nombre d'individus porteurs du gène :

P = nb atteints / nb porteurs x 100 (%)

Cette dominance incomplète peut être due à :

- Gènes modificateurs : un autre gène modifie l'expression du gène morbide
- Gènes épistatiques : l'expression phénotypique d'un gène dépend de l'expression phénotypique d'un autre gène
- Q <u>Gènes suppresseurs</u>: mutation qui supprime l'expression phénotypique du gène morbide
- Facteurs environnementaux

Remarque : La pénétrance peut varier avec l'âge et le sexe de l'individu.

B. Expressivité

Chez des individus différents, pour un <u>même gène</u> donné, le phénotype exprimé peut varier. Le changement peut s'opérer du point de vue du nombre de tissus atteints et/ou de la sévérité de l'atteinte. On dit que l'on a une expressivité variable.

Elle est due à :

- Facteurs environnementaux
- q Génotype de l'individu

On observe que l'impact d'un gène sur le phénotype dépend de ses <u>relations</u> <u>de dominance</u>, mais aussi de conditions <u>liées au génotype et à l'environnement de l'individu</u>. Un gène peut être jugé selon deux paramètres donnant des informations complémentaires : la pénétrance qui a une valeur quantitative tandis que l'expressivité a une valeur qualitative.

C. Autres particularités

Anticipation:

C'est un cas particulier où plus on avance des les générations qui obtiennent ce gène, plus la maladie est précoce.

Ex : chorée de Huntington

Coefficient de consanguinité :

C'est la probabilité que les enfants issus d'une <u>union consanguine</u> reçoivent deux fois le même allèle.

Hérédité intermédiaire :

Avec certains gènes récessifs, les individus hétérozygotes présentent la maladie ou une manifestation biologique intermédiaire.

Hétérogénéité génétique :

- à Hétérogénéité allélique (ou intralocus): la maladie est due à des mutations différentes dans le même gène. On parle d'hétérozygote composite pour un individu qui posséderait deux allèles malades mutés différemment.
- à Hétérogénéité interlocus : le phénotype est apparemment identique, bien qu'il soit causé par des gènes différents.

Hérédité liée à l'X :

Chez les femmes, un des deux chromosomes <u>X est inactivé</u> (en plus grande partie). Cette inactivation se fait <u>de manière aléatoire</u> dans le corps féminin.



L'inactivation au hasard conduit à des taches de couleurs différentes chez les chats femelles.

Probabilité d'être hétérozygote pour un individu pris au hasard dans la population :

On l'appelle la loi de Hardy-Weinberg:

Soit p la probabilité de posséder l'allèle sain, et q l'allèle malade ; p + q = 1

- à Pour être malade il faut posséder deux fois l'allèle malade, donc la probabilité d'être malade est q².
- a Probabilité d'être hétérozygote : 2 pq = $2(1-q) \times (q^2)^{\frac{1}{2}}$ Quand q² est très petit, 2 pq Y 2 $(q^2)^{\frac{1}{2}}$

D. Empreinte parentale

Suivant l'origine du chromosome (paternel ou maternel), l'expression des gènes portés par ce chromosome est différente. Un gène provenant du père (ou de la mère) et qui s'en trouve réprimé, est dit empreint du père (ou de la mère).

Ces modifications sont en fait épigénétique, c'est-à-dire qu'elles <u>n'altèrent</u> <u>pas la séquence</u>. L'expression dépendrait des <u>marquages de l'ADN ou des histones</u>, notamment par des *méthylations* (souvent répresseur) ou des *acétylations* (souvent activateur).

IV_ Déterminisme du sexe chez l'homme

A. Différenciation du sexe

Observations:

Génotype	Sexe	Phénotype
XO	Femelle	Mort ou quelque fois syndrome de Turner
Y0	Mâle	Mort
XXY	Mâle	Syndrome Klinefelter
XXX	Femelle	Normal
XYY	Mâle	Normal

On remarque que la <u>présence ou non chromosome Y détermine le sexe</u> de l'individu. On a identifié sur ce chromosome un des gènes importants qui déterminent le sexe de l'individu, le gène SRY (*Sex-determining Region of Y*).

B. Pathologies de la différenciation sexuelle

Certains individus XX sont des mâles, tandis que d'autres XY sont femelles. Cette particularité serait du à un <u>crossing-over anormal</u> entre X et Y, qui échangerait le gène SRY.

